Keio Associated Repository of Academic resouces

Title	標的特異的制御性T細胞による過剰応答抑制
Sub Title	Suppression of aberrant immune responses by antigen specific regulatory T cells
Author	金森, 光広(Kanamori, Mitsuhiro)
Publisher	
Publication year	2018
Jtitle	科学研究費補助金研究成果報告書 (2017.)
JaLC DOI	
Abstract	制御性T細胞(Treg)は、免疫応答を抑制するT細胞サブセットであり、自己免疫疾患等の過剰な免疫反応を押える目的での臨床応用が注目されている。本研究では分化したエフェクターT細胞を、抗原特異性を保持したままTregへとリプログラミングする培養法を樹立した。このエフェクター由来のTregはマウス個体内で免疫抑制作用を示した。このリプログラミングには代謝の変化が重要であった。同じ手法にてヒトのエフェクターT細胞からもTregを誘導することに成功しており、将来臨床応用に繋がることが期待される。 Regulatory T (Treg) cells are a suppressive subset of T cells. Many researchers are working on clinical application of Treg cells aiming for suppression of uncontrolled immune responses including autoimmunity. This study has established a culture method, by which effector T cells are reprogramed into Treg cells. Such effector-derived Treg cells showed a suppressive function in vivo in a mouse model. Metabolic shift was shown to be important for this reprograming. The same culture method was able to induce Treg cells from human effector T cells. Therefore, this study can lead to the clinical application of effector-derived Treg cells in the future.
Notes	研究種目: 若手研究(B) 研究期間: 2016~2017 課題番号: 16K19108 研究分野: 免疫学
Genre	Research Paper
URL	https://koara.lib.keio.ac.jp/xoonips/modules/xoonips/detail.php?koara_id=KAKEN_16K19108seika

慶應義塾大学学術情報リポジトリ(KOARA)に掲載されているコンテンツの著作権は、それぞれの著作者、学会または出版社/発行者に帰属し、その権利は著作権法によって 保護されています。引用にあたっては、著作権法を遵守してご利用ください。

The copyrights of content available on the KeiO Associated Repository of Academic resources (KOARA) belong to the respective authors, academic societies, or publishers/issuers, and these rights are protected by the Japanese Copyright Act. When quoting the content, please follow the Japanese copyright act.

科学研究費助成事業研究成果報告書



平成 30 年 5 月 14 日現在

機関番号: 32612 研究種目: 若手研究(B) 研究期間: 2016~2017

課題番号: 16K19108

研究課題名(和文)標的特異的制御性T細胞による過剰応答抑制

研究課題名(英文)Suppression of aberrant immune responses by antigen specific regulatory T cells

研究代表者

金森 光広 (Kanamori, Mitsuhiro)

慶應義塾大学・医学部(信濃町)・特任助教

研究者番号:00772336

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 3,100,000円

研究成果の概要(和文):制御性T細胞(Treg)は、免疫応答を抑制するT細胞サブセットであり、自己免疫疾患等の過剰な免疫反応を押える目的での臨床応用が注目されている。本研究では分化したエフェクターT細胞を、抗原特異性を保持したままTregへとリプログラミングする培養法を樹立した。このエフェクター由来のTregはマウス個体内で免疫抑制作用を示した。このリプログラミングには代謝の変化が重要であった。同じ手法にてヒトのエフェクターT細胞からもTregを誘導することに成功しており、将来臨床応用に繋がることが期待される。

研究成果の概要(英文): Regulatory T (Treg) cells are a suppressive subset of T cells. Many researchers are working on clinical application of Treg cells aiming for suppression of uncontrolled immune responses including autoimmunity. This study has established a culture method, by which effector T cells are reprogramed into Treg cells. Such effector-derived Treg cells showed a suppressive function in vivo in a mouse model. Metabolic shift was shown to be important for this reprograming. The same culture method was able to induce Treg cells from human effector T cells. Therefore, this study can lead to the clinical application of effector-derived Treg cells in the future.

研究分野: 免疫学

キーワード: エピジェネティクス リプログラミング 代謝 制御性T細胞

1.研究開始当初の背景

(1)腸炎などの自己免疫疾患は、主に抗原特異的な T 細胞受容体(TCR)を発現する T 細胞により引き起こされる。また白血病や悪性リンパ腫に対する主要な治療法である骨髄/幹細胞移植においては移植片対宿主病(Graft Versus Host Disease; GVHD)という深刻なリスクを伴うが、これもアロ抗原を認識するドナー由来のアロ特異的 T 細胞によるものである。

(2)抗原の感作を受けていないナイーブ CD4 T 細胞は活性化していくつかのサブセットに分化する。上述のように、分化したエフェクターCD4 T 細胞は、適切な制御を受けなければ望まれない炎症を誘導する可能性がある。CD4 T 細胞サブセットの中でも、制御性 T 細胞 (Treg)はエフェクターT 細胞を抑制する機能をもつサブセットである。ナイーブ CD4 T 細胞を TGF-β存在下で刺激することにより iTreg が誘導できる。過剰な免疫応答の抑制を目的とした Treg の臨床応用は世界中で追求されている課題である。

2.研究の目的

自己免疫疾患や GVHD などでみられる過剰な免疫応答は早急に解決されるべき課題の一つである。そこで本課題では、炎症性のエフェクターCD4 T 細胞より人為的に Treg を誘導し、抗原特異的な免疫抑制療法樹立のための基礎を築くことを目的とした。抗原特異的 Treg による免疫抑制は、非特異的な免疫抑制剤と異なり、患者の正常な免疫機能を保持できる極めて副作用の少ない治療手段となることが期待される。

本課題では特に、Th1 サブセットを Treg にリプログラミングすることを目的とした。Th1 はエフェクターCD4 T 細胞サブセットの中でも極めて安定なサブセットであり、その安定性はエピゲノム修飾により担保されているものと考えられている。したがってTh1 のリプログラミングはエピゲノム領域の学術的な発展にも大きく寄与するものである。

3.研究の方法

(1)マウス病態モデルを用いて、生体内でのTh1R の炎症抑制能を検討する。リンパ球欠損マウスを用いた腸炎モデルおよびBALB/c系統のマウスにB6系統のマウス由来の細胞を移入することで誘導するアロGVHDモデルを用いる。

(2)薬剤処理にて、Th1Rの誘導効率の改善を 試みる。ナイーブ CD4 T 細胞から Treg を誘 導する際には、いくつか誘導効率や機能を良 くする薬剤が報告がある。これらを Th1R の 改良に応用できないか検討する。

(3)網羅的遺伝子発現解析およびクロマチン 免疫沈降法(ChIP)によるエピゲノム状態の 解析を行う。マイクロアレイにて Th1R と iTreg の類似性を評価する。また ChIP にて Foxp3 領域のエピゲノム修飾が、Th1R を誘導する過程でどのように変化するか解析する。

(4) TGF-βに対する感受性を解析する。Th1 から直接 Foxp3 発現が誘導されないメカニ ズムに迫るのが目的である。TGF-βの下流の Smad2/3 のリン酸化を指標に評価する。

(5) ウイルスベクターによる過剰発現系や CRISPR/Cas9 によるノックアウト解析を行う。方法(3)のマイクロアレイ解析にて、Th1R の誘導に重要と思われる遺伝子に着目する。これら遺伝子を、Th1R 誘導の過程で過剰発現あるいはノックアウトすることにより、Th1R 分化の分子メカニズムを解明する。

4. 研究成果

本研究課題の申請時点にて、すでに研究代表者らは Th1 から Foxp3 発現、すなわち Th1R を誘導する培養方法を樹立していた。 具体的には、Th1 を、-旦 TCR 刺激を除いて休ませ(resting)、その後 TGF- β 存在下で刺激することによって Th1R は誘導される(図 1)。 Th1R は試験管内の実験にて、T 細胞の増殖を抑制する能力を持つことを示している。

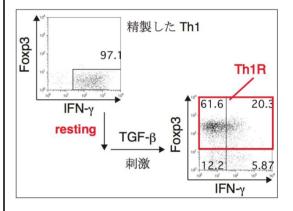


図 1: resting による Th1R の誘導

(1)薬剤処理にて Th1R の改良を試みた。その結果、ビタミン A 代謝産物である all trans retinoic acid (ATRA)が IFN-γ産生を抑え Foxp3 発現効率を上げた。またビタミン C が Foxp3 発現の安定化させた。ビタミン C による Foxp3 発現の安定化は、試験管内での培養とマウス個体に移入した場合の両方でみられた。ATRA とビタミン C 存在下で誘導した改良型 Th1R を A/C-Th1R と呼ぶ。特に ATRA はヒトの Th1R を誘導する際にも有用で、IFN-γ発現の低いヒト Th1R が高い効率で誘導することができた。

(2)マイクロアレイのデータでPC解析を行った。結果、Th1R の遺伝子発現パターンは元のTh1から、よりiTregのそれに近い状態となっていた(図 2)。図中のRestedとはresting後の細胞を指し、Th1+ TGF- β とは restingを介さずに Th1を TGF- β 存在下で刺激した細胞である。すなわち Th1+ TGF- β は Foxp3を発現しない細胞である。Th1+ TGF- β の細胞の遺伝子発現パターンは Th1のそれとほとんど変化がなく、したがって resting によ

リ Th1 が TGF-βに応答するようになることがこの網羅的遺伝子発現解析からも示唆された。

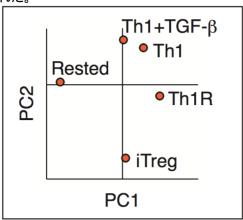


図 2:マイクロアレイ: PC 解析の結果 Foxp3 遺伝子座を対象に ChIP 解析およびメ チル化解析も行った。その結果 Th1 では Foxp3 領域は抑制性のエピジェネ修飾を受 けていることが分かった。一方 Th1R では iTreg と同様にこの領域は活性型の修飾がさ れていた。非常に興味深いことに、この抑制 性の修飾は、resting では大きな変化が見ら れないことも示された。したがって当初はエ ピジェネの変化をきっかけに Th1 から Foxp3 が発現されるようになると予想して いたが、resting 時にエピジェネティクスの 変化に先立って Foxp3 発現を可能にするよ うな別の変化が起こることが示唆された。ま た解析の結果、iTreg にて報告があるように、 Th1RにおいてもビタミンCはFoxp3遺伝子 座の CNS2 領域のメチル化を外す作用があ ることが示された。既報と併せて考えると、 ビタミン C による Foxp3 発現の安定化はこ の CNS2 領域の脱メチル化に依るものと考 えられる。

(3)各 Th1R の誘導段階での TGF-βへの感受性を調べるため、Smad2/3 のリン酸化を測定した。その結果ナイーブ CD4 T 細胞に比べて Th1 では予想どおり Smad2/3 のリン酸化が抑制されており、resting によってこれが回復することが示された。加えて Th1 では Smad3 の発現自体も低下することが分かった。マイクロアレイの結果から TGF-βの下流の遺伝子の変化も解析したところ、リン酸化の結果と一致して Th1 では TGF-βへの応答性が低いことが示唆されていた。

(4)結果(1)の、薬剤の効果を検討している過程にて、阻害剤 rapamycin 処理にて Th1 から直接 Foxp3 発現が誘導できることを見出した。 rapamycin は代謝を司る mTORC1 の阻害薬である。 T 細胞において mTORC1 は TCR 刺激によって活発になることは知られている。 Resting (TCR 刺激無し)により Th1Rが誘導できることと rapamycin の効果を併せて考えて、代謝の変化、すなわち mTORC1の抑制によって Th1 より Foxp3 発現が可能になるのではないかという新たな仮説を立

てた。T 細胞分化と代謝の関係は当時から盛 んに研究されており、Th1 を含むエフェクタ -T 細胞の分化には解糖系に依存した代謝が、 Treg の分化にはミトコンドリアにおける酸 化的リン酸化に依存した代謝がそれぞれ重 要であることが報告された。また TCR 刺激 の結果 mTORC1 を介して解糖系が活発に動 くことも報告があった。これらを踏まえて Th1R 誘導の過程の代謝状態の変化を重点的 に解析した。解析方法として、グルコース類 似体の取り込みによる解糖系の評価や、蛍光 試薬によるミトコンドリアの膜電位の測定、 およびフラックスアナライザーによる直接 的な解糖と酸化的リン酸化の測定を行った。 その結果ナイーブ CD4 T 細胞 resting 後の細胞という培養過程において、 主な代謝経路が酸化的リン酸化 解糖系 再び酸化的リン酸化という変化をすること が明らかとなった。rapamycin 処理による Th1 からの Foxp3 誘導と対をなす実験とし て、resting 中に酸化的リン酸化の阻害剤を 加えた。すると予想通り Th1R の誘導効率は 大きく低下し、仮説の通り代謝状態が Th1R の誘導に大きな役割を果たすことが明らか となった。

(5)過剰発現系やノックアウトによる Th1R 誘導の分子メカニズムの解明を試みた。Cas9 をウイルスベクターにて導入する系は、Cas9 自体の導入効率が極めて低く、解析は断念し た。そこで主にウイルスベクターによる過剰 発現系を用いて解析した。結果(3)の内容を受 けて Smad3 を Th1 に過剰発現させたところ、 Th1 から resting を介さずに Foxp3 発現を誘 導することができた。また、TCR の下流の mTORC1 関連遺伝子群を resting 中に過剰 発現させる実験系により、代謝の影響を検討 した。結果は仮説通りで、mTORC1 経路を 促進するような遺伝子を発現させた場合は Th1R 誘導効率が上昇し、この経路を抑制す るような遺伝子を発現させた場合は反対の 結果になる、という傾向がみられた。

(6)マウス病態モデルを用いて、Th1R の免疫 抑制能を解析した。アロ GVHD モデルは全 身性の激しい炎症を伴う致死性の疾患モデ ルで、Th1R の移入では抑えることはできな かった。そこで腸炎モデルを中心に解析を進 めた。まずリンパ球欠損マウスに Th1R 単独 で移入した場合、腸炎等の炎症を引き起こさ なかった。Th1R は炎症性のエフェクター Th1 由来であるため、それ自体が生体に害で あるおそれがあったが、そのようなことは起 きなかった。次にナイーブ CD4 T 細胞をリ ンパ球欠損マウスに移入する腸炎モデルに て、同時にTh1Rも移入して病態を解析した。 移入する細胞としては、改良型の A/C-Th1R を用いた。A/C-Th1R は、iTreg には劣るも のの腸炎を有意に改善した(図 3)。 すなわち Th1R が生体内にて免疫抑制能を持つことが 示された。

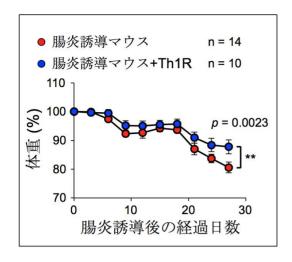


図3: Th1R 移入による腸炎の改善

5 . 主な発表論文等 (研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

[雑誌論文](計 0 件)

[学会発表](計 1 件)

発表者: Mitsuhiro Kanamori

発表表題: Induction of regulatory T cells from Th1 cells through metabolic reprograming

学会名: The 5th Annual Meeting of the International Cytokine and Interferon Society

発表年:2017

[図書](計 0 件)

[産業財産権]

出願状況(計 0 件)

名称: 発明者: 権利者: 種類: 番号: 日

出願年月日: 国内外の別:

取得状況(計 0 件)

名称: 発明者: 権利者: 種類: 種号: 取得年月日:

取得年月日: 国内外の別:

〔その他〕 ホームページ等 6. 研究組織

(1)研究代表者

金森 光広(KANAMORI, Mitsuhiro) 慶応義塾大学・医学部(信濃町)・特任助 教

研究者番号: 00772336

(2)研究分担者

()

研究者番号:

(3)連携研究者

)

(

研究者番号:

(4)研究協力者

()